

Das GHGA-Metadatenmodell: einheitliche Beschreibung humaner Omics-Daten für bessere gemeinsame Nutzung

<https://www.ghga.de/de/materialien/metadatenmodell>



Unterstützung für
Forschende bei der
Beschreibung
eingereichter Daten
und beim Zugriff auf
relevante Daten



FAIRe Metadaten
durch Verwendung
etablierter und weit
verbreiteter
Ontologien und
Vokabulare



Implementierung
des GHGA-
Metadatenmodells
mittels der Linked
Data Modelling
Language (LinkML)



Einreichung der
Daten in
standardisierter Form
mit Hilfe des GHGA
'submission
spreadsheet'

AUF GITHUB

Das GHGA-Metadatenmodell ist in einem öffentlichen GitHub-Repository gespeichert und zugänglich. Hier können Sie jede neue Version des Modells verfolgen.



Abonnieren Sie unseren Newsletter, um über neue Entwicklungen im Bereich Metadaten informiert zu werden.

